

# 細菌のセンサーから紐解く 神経刺激を伝えるタンパク質の太古の姿

名古屋大学細胞生理学研究センター(CeSPI)/大学院創薬科学研究科の入江 克雅 助教らと自然科学研究機構生理学研究所神経機能素子研究部門の下村 拓史 助教らの共同研究グループは、神経情報伝達や筋収縮などに必須の役割を果たすタンパク質であるイオンチャネルの中でカルシウムをよく通すものを世界で初めて細菌から発見しました。このチャネル遺伝子は生命の共通祖先に比較的近い細菌のゲノムより見いだされました。また、このチャネルが通すイオンを決める部分がヒトなどの高等生物のカルシウムチャネルと類似点を持ち、特に、その部分でよく保存されているグリシンと呼ばれるアミノ酸が、イオン選択性に重要であることを確かめました。

本発見は神経伝達の電気信号の電線、すなわち思考や記憶の基本素子ともいえるイオンチャネルの進化におけるミッシングリンクであった先祖型のカルシウムチャネルについての知見を与えるものです。既存のカルシウムチャネルの機能についての新たな知見を提供するものでもあり、選択的なイオン透過機構の成立の過程を知る重要な結果です。この結果をもとにした、カルシウムチャネルのさらなる機能理解によって高血圧・不整脈・群発頭痛などに効果的に作用するカルシウム拮抗剤の開発の基礎となることも期待されます。

この研究成果は、東京医科歯科大学高等研究院の藤吉 好則 特別栄誉教授らとの共同研究であり、令和 2 年 2 月 25 日付(日本時間 17 時)の eLife 誌に掲載されました。本研究は、日本学術振興会(JSPS)科学研究費助成事業・基盤研究(S)(課題番号 15H05775)、若手研究(B)(課題番号 17K17795)、日本医療研究開発機構(AMED)創薬等先端技術支援基盤プラットフォームならびに次世代治療・診断実現のための創薬基盤技術開発事業「革新的中分子創薬基盤技術の開発」の支援のもとで行われたものです。

#### 【ポイント】

- 細菌の膜電位感受性カルシウムチャネルを世界で初めて発見した。
- ヒトのカルシウムチャネルにも共通する選択的なイオン透過機構について、新たな知見が得られた。
- このカルシウムチャネルは先祖型の特徴を保持していると考えられ、イオンチャネルの進化についての知見が得られた。
- 効果的なカルシウム拮抗剤の開発などに貢献することが期待される。

## 【背景】

我々の思考や記憶および身体を動かすことは脳や筋肉における神経活動のたまものです(図 1A)。これらの神経活動は神経細胞の細胞膜上に存在する特定のイオンのみを選択的に透過する孔であるイオンチャネルの働きによるものです(図 1B)。例えば、ナトリウムイオン  $(Na^+)$  の細胞内への流入が神経細胞内の電気信号の伝達を行い、カリウムイオン  $(K^+)$  の細胞外への流出で速やかに信号を消失することで電気信号の逆流や過剰な伝達を防ぎます。これらと同様に、カルシウムは人体に必須のミネラルであり、脳や筋肉など身体のほぼ全ての臓器・細胞で重要かつ多様な生理機能に関わっています。例えば、脳や末梢の神経細胞の連結部(シナプス)では、神経細胞での電気信号が細胞内へのカルシウムイオン  $(Ca^{2+})$  の流入を引き起こし、これを引き金として神経伝達物質がシナプス間隙に放出され、次の神経細胞における電気信号の発生を促します。この電気信号は細胞内外の電位差(膜電位)の変化として伝達されますが、膜電位変化と  $Ca^{2+}$ 流入を結びつけるタンパク質が膜電位感受性カルシウムチャネルです(図 1B)。こうした重要性からカルシウムチャネルの阻害剤は臨床的に有用であり、血管平滑筋の機能を調整する高血圧や狭心症に対する薬剤などとして利用されています。

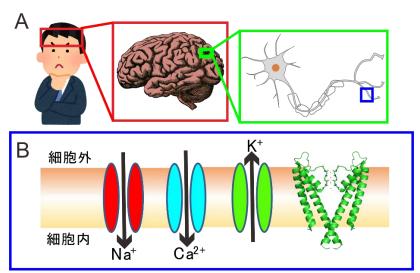


図 1.A:我々は脳で物事を考え(赤枠)、脳は神経細胞の集合体であり(緑枠)、神経細胞はイオンチャネルの働きにより発生する電気信号を用いて情報の伝達を行う(青枠)。 B:選択的なイオン透過を行うチャネル。上図は世界で初めて決定されたカリウムチャネルの立体構造。この構造をもとにしたカリウムイオンの選択的なイオン透過機構の解明に対して 2003 年度ノーベル化学賞が授与された。

私たちヒトを含む多細胞生物のカルシウムチャネルの分子構造は、よく似たアミノ酸配列  $^1$  からなる基本単位が  $^4$  つ連結した特徴的なものです(図  $^2$ A)。この特徴は、 $^2$ Ca2+ではなく  $^4$ Ca2+ではた分子構造を持つものが見つかっていますが、それは同一の基本単位が四つ集まってできた単純なものです(図  $^4$ Ca2+では進化の過程で  $^4$ Ca2+では、 $^4$ Ca2

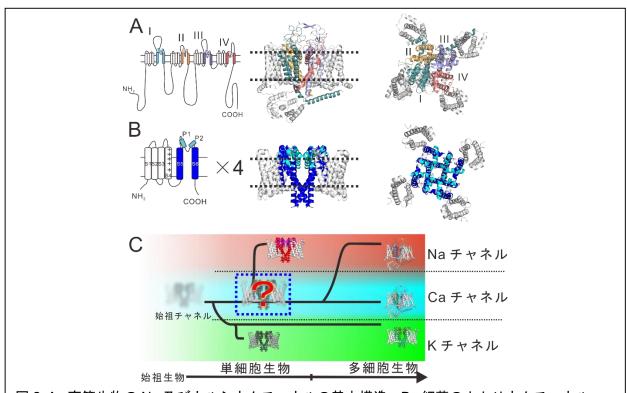


図 2. A: 高等生物の Na 及びカルシウムチャネルの基本構造。B: 細菌のナトリウムチャネル (BacNav) の基本構造。C: イオンチャネルの進化の過程の模式図。細菌のカルシウムチャネル (青枠) はチャネルの進化の鍵を握る位置にあり、存在が予測されていたがこれまで同定されていなかった。

# 【研究成果】

今回私たちの研究グループは、まず、細菌のカルシウムチャネルの発見を目的とし遺伝子データベースから様々な細菌のナトリウムチャネル(BacNav)に似ている遺伝子の探索と分子系統学的解析<sup>2</sup>を行いました。その結果、既知の BacNav とは異なるアミノ酸配列の特徴を持つ新たなグループを発見しました。このグループには生命の共通先

祖に比較的近い細菌から見つかった遺伝子も含まれていたことから、このグループを AnclNav(Ancestor-like BacNav)と名付けました(図 3A)。AnclNav の一群から、いく つかの遺伝子を単離し、培養細胞を用いたパッチクランプ法  $^3$ によりチャネル活性を測定したところ、Meiothermus ruber および Plesiocystis pacifica の 2 種の細菌から単離した 遺伝子を導入した細胞でイオンチャネル電流が確認できました。特に、好熱菌  $^4$ である  $^4$  ruber 由来のものは  $^2$  Ca $^2$  をよく通しました。すなわち、これは世界で初めて発見された細菌のカルシウムチャネルになります(図 3B 左)。

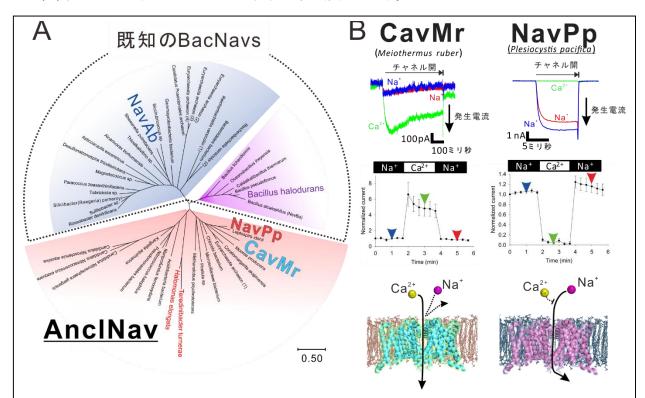


図 3. A:分子系統学的解析によって作製した系統樹。B:二つの AnclNav である CavMr と NavPp によるチャネル電流。緑の線がカルシウムイオンによる電流を示す。赤と青はナトリウムイオン による電流。下図は選択的なイオンの透過を示した模式図

さらに、もう一方の AnclNav である P. pacifica 由来のチャネル(NavPp)は Na<sup>+</sup>をよく通すものの Ca<sup>2+</sup>によって透過が阻害されるという、これもまた、これまでにない特徴を持つチャネルでした(図 3 右)。

イオンチャネルの通すイオンを決める重要な部分としてチャネル中央部にあるイオンの透過経路に面している領域があり、この領域は物質をこしたりふるい分けたりする装置であるフィルターに見立ててイオン選択性フィルターと呼ばれます(図 4A)。 CavMr の選択性フィルター配列をアミノ酸の一文字略号 で示すと TLEGWVD となります。BacNav の一種である NavAb はナトリウムチャネルでありフィルター配列は TLESWSM ですが、選択性フィルターのアミノ酸配列にグルタミン酸(E)やアスパラギン酸(D)などの酸性アミノ酸を人為的に導入して TLDDWSD とするとカルシウム選択性を示すことが知られており、これは人工カルシウムチャネルとして CavAb と呼ばれています。そこで、Ca 選択性を示す 3 つのチャネル、すなわち CavMr と CavAb そしてヒトのカルシウムチャネルの脳や心臓で機能する一種である Cav3.1 の選択性フィルターのアミノ酸配列を比較したところ、CavMr の配列は Cav3.1 に近いことがわかり

ました(図 4A)。Cav3.1 は四つの繰り返しリピートからなるチャネルのため、フィルター配列もそれぞれ異なりますが、1 番目のリピートと 3 番目のリピートの配列がCavMrに似ていました(図 4C)。一方で、CavAb の配列は全体的に酸性アミノ酸が多くCav3.1 や CavMr の配列とは大きく異なっていました(図 4C)。カルシウム選択性の分子機構について、これまでは人工カルシウムチャネルの CavAb の立体構造に基づいて議論されてきましたが、この結果は天然のカルシウムチャネルである CavMr やCav3.1 などのヒト Cav のカルシウム選択性の分子機構は CavAb の構造から議論されたものと異なることを示唆しています。

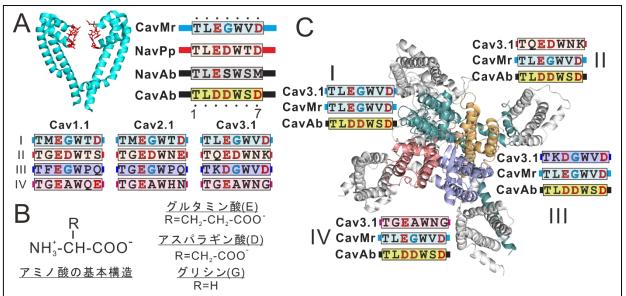


図 4. A: イオンチャネルにおける選択性フィルター領域とそのアミノ酸配列の一文字略号表記  $^5$ 。 B: アミノ酸の基本構造。R は側鎖を示す。C: CavMr, CavAb, ヒト Cav3.1 の三種類のカルシウムチャネルのフィルター配列の比較。酸性アミノ酸であるグルタミン酸(E)とアスパラギン酸(D)を赤文字で示した。CavMr と Cav3.1 で保存されているグリシン(G)を青文字で示した。

CavMr のフィルター配列は、CavAb よりも酸性アミノ酸(E や D)の数が少なく、ヒトの Cav のリピート 1 とリピート 3 に見られるグリシン(G)が保存されていることが特徴です。そこで最後に、CavMr の選択性フィルターにおける酸性アミノ酸とグリシンの重要性を調べるべく CavMr と NavPp の注目するグリシンの位置にあるアミノ酸を他のアミノ酸に変換した変異体を作製しその機能を調べました。

まず、CavMr の選択性フィルターの酸性アミノ酸を増減させてみたところ、減らした変異体である選択性フィルターの 7 番目のアスパラギン酸(D)をメチオニン(M)に変異した変異体である CavMr-D7M では高いカルシウム選択性が保持された一方、増やした変異体である CavMr-G4D ではカルシウム選択性が著しく減少しました(図 5A)。この結果は、選択性フィルターに多くの酸性アミノ酸を持つ NavPp が予想に反して Na+をよく透過することにも合致します。 さらに、NavPp の選択性フィルターの配列を CavMr のものに置換した変異体(NavPp-Mr)は酸性アミノ酸の数は減少するにもかかわらず高いカルシウム選択性を獲得しました(図 5B)。これらの結果は、酸性アミノ酸の数がカルシウム選択性の高さと相関するという人工チャネルを基にした従来のモデルとは明らかに合致しません。

加えて、CavMr のグリシン残基を NavAb で見られるセリンに置換した CavMr-G4S 変異体はカルシウム選択性を消失し(図 5A)、NavPp に CavMr に見られるグリシンのみを導入した NavPp-D4G は比較的カルシウム選択的なイオン透過が可能になりました(図 5B)。この結果は、酸性アミノ酸ではなく最も単純で小さいアミノ酸であるグリシンがカルシウム選択性に重要であることを示しています。このグリシンは、ヒトの膜電位感受性カルシウムチャネルだけでなく類似した他の多細胞生物のカルシウムチャネルなどにおいてもよく保存されているものの、カルシウム選択性への寄与はあまり注目されていませんでした。以上の結果は、これまで見落とされてきた選択性フィルター内のグリシンによる、細菌からヒトにまでおよぶ高度に保存されたカルシウム選択性機構の存在を想起させるものです。

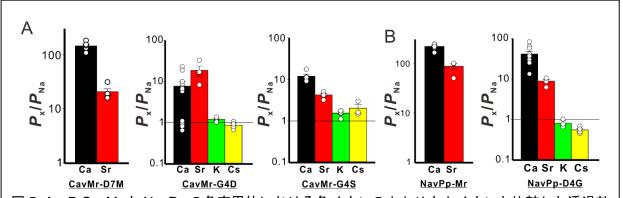


図 5. A、B:CavMr と NavPp の各変異体における各イオンのナトリウムイオンと比較した透過効率。縦軸はナトリウムイオンの何倍通りやすいかを示す。

# 【今後の展開】

今回の結果は、古くからその存在が予想されながらも長く未発見であった細菌の膜電位感受性カルシウムチャネルの存在を実証したものであり、幅広い研究分野に影響を与えると期待されます。CavMrの属する AnclNav グループは、我々ヒトも含めた多細胞生物ナトリウムチャネルやカルシウムチャネルの祖先型の特徴を保持したチャネルである可能性が高く、イオンチャネルの進化についての理解を大きく進展させ、今後新たな研究を促すことが期待されます。また、細菌がカルシウムチャネルを保持しているという事実からは、進化の初期段階においても生物が膜電位変化を細胞内での様々な役割を持つカルシウムシグナリングと結びつけていたことが想定され、我々高等動物の筋収縮や神経伝達をつかさどるシステムの原型が進化的にかなり初期の段階から存在していたことを示唆する興味深い知見です。

また、CavMr のイオン選択性についての変異体の解析結果はカルシウムチャネルの本質的な機能であるカルシウム選択性について、重要な知見を与えるものでした。これらの結果は、自然が採用したカルシウム選択性の分子基盤は人為的に作製したカルシウムチャネルのものとは異なるものであることを強く示唆します。CavMr のさらなる研究からカルシウム選択性の詳細な分子機構の理解が進み、より有効性の高いカルシウム拮抗剤などの新薬の開発に繋がると期待されます。

基礎生物研究や臨床研究に対しても、ナトリウムチャネルである BacNav が神経活動 を恒常的に増進させる遺伝学的道具として使用されてきた実績があり、CavMr も同様 にカルシウムシグナリングを亢進させるツールとしての応用も期待できます。カルシ

ウムシグナリングは細胞増殖などにも関わっており、特定の神経細胞に CavMr を発現させることで損なわれたカルシウムシグナルを回復させたり、過剰に発現させることで特定の癌細胞を死滅させたりするなどの幅広い利用方法が考えられます。

## 【用語解説】

- 1)アミノ酸配列:タンパク質は側鎖(図 4B)が異なる約20種類のアミノ酸が脱水縮合しペプチド結合により重合してできている。この繋がりをアミド基(図 4B:NH<sub>2</sub><sup>+</sup>-)側から順に並べたものがアミノ酸配列となり、アミノ酸配列の違いによりたんぱく質が様々な機能を示すことができる。
- 2)分子系統解析: 遺伝子 DNA の塩基配列やタンパク質のアミノ酸配列の類似性をも とにして、生物種やタンパク質の近縁性および進化を解析する手法。
- 3)パッチクランプ法: 極めて小さな先端径を持つガラス電極を細胞膜に密着させることで、細胞内外の電流の漏れを最小限に抑えながら細胞に発現するチャネル電流を 測定する手法。
- 4)好熱菌: 温泉や熱水噴出孔などの高温環境に生育する原核生物。進化的に古い起源 を持つ生物であることが多い。
- 5)アミノ酸の一文字略号:タンパク質を構成する20種類のアミノ酸をそれぞれアルファベット一文字で表記する方法。グリシンはG、グルタミン酸はE、アスパラギン酸をDでそれぞれ表す。

#### 【特記事項】

本研究は、日本学術振興会(JSPS)科学研究費助成事業・基盤研究(S)(課題番号 15H05775)、若手研究(B)(課題番号 17K17795)日本医療研究開発機構(AMED)創薬等先端技術支援基盤プラットフォームならびに次世代治療・診断実現のための創薬基盤技術開発事業「革新的中分子創薬基盤技術の開発」の支援のもとで行われました。

また、本研究は東京医科歯科大学と生理学研究所との共同研究として行われました。

## 【論文情報】

掲載誌: eLife

論文タイトル: "A native prokaryotic voltage-dependent calcium channel with a novel selectivity filter sequence"

著者: Takushi Shimomura, Yoshiki Yonekawa, Hitoshi Nagura, Michihiro Tateyama, Yoshinori Fujiyoshi and Katsumasa Irie

DOI: https://doi.org/10.7554/eLife.52828